农业资源研究中心 微生物分子生态学组 岗位应聘申请表

<u>从上次份为了工品;</u> 和上户1												
姓 名	王新珍			性别女		_	党 派	无				
出生日期	出生日期 1988.10		1	参加工作时间			2017年7月					
	中国	中国科学		毕业时间			2017年6月			(8)8		
	院东北地		<u>,</u>	出站时间			无				=	
毕业院校	理」	理与农业										
	生态研究		ب 4									
		所								近期一寸免冠		
学 历	博	博士研		2 位	理学博士		所学专业		生态学/微	生	正面照片	
子川	究	究生		<u> </u>					物生态			
现工作/博士	单位			中国科学院东北北			比地	理与农业生态	S研 第	光所		
现职务/职		 研究 <u></u>		上上的		न	2012. 9—2017. 6					
称	11/17		LI		任职时间		2012. 9-201		2017	. 0		
外语语种和	水	水		幹汪 /C	ነርጥ_6	T-6		大	了 第无亲属关系		无	
平				英语/CET-6 			一一一一一		心水)两大尔		儿	
配偶情况	<i>y</i>	姓名		无		工作地点			无		i	
印用机	ュ	工作性质		无		户口所在地		և	无		i	
E-mail	wa	angxx	inz	zhen@126. com			联系电话		18746032639			
		正式户口所在地							山东省利津县凤凰城街道办事处			
户口所在									前宋村			
地		非正式户口所在地 (学生或博士后)							山东省利津县凤凰城街道办事处			
		11-11-D	4 / ^	中川生地(于王以)			はエ加)		前宋村			
应聘岗位		农业资源研究中心微生物分子生态学组微生物分子生态学方向										

一、学习进修经历(大学填起,研究生阶段注明指导教师)

2008.9-2012.7: 滨州学院, 生物科学专业, 理学学士学位

2012.9-2017.7: 中国科学院东北地理与农业生态研究所,生态学专业,微生物生态研究方

向,理学博士学位(硕博连读,导师王光华研究员)

二、工作经历(含工作时间、单位名称及任职情况等)

- 1. 服务类社会实践: 滨州市滨城区荧光义工学院组志愿者、餐饮服务工作
- 2. 销售类社会实践: 花生拌种剂、体育彩票站、连锁超市蓝月亮洗衣液
- 3. 专业相关类社会实践: 青岛崂山区野外实习、滨州安琪酵母公司参观

三、代表性研究工作或学位论文工作介绍(含参加/承担项目、研究基础、取得成果等)

(一) 中国东北稻田水体蓝藻病毒基因多样性与水体病毒宏基因组学研究

- 1. 参与国家自然科学基金项目东北稻田生态系统蓝藻病毒(噬蓝藻体)基因多样性研究(41271262):采用免培养的分子生物学技术(PCR、克隆、Sanger测序),从东北稻田水体中捕获近千条表征蓝藻病毒遗传多样性的不同分子标记基因,包括可能来源于寄主的辅助代谢光合基因*psbA*和磷营养调控基因*phoH*,以及T7型蓝藻病毒DNA合成酶基因DNA *pol*等。研究结果已发表在期刊FEMS Microbiology Ecology、Scientific Reports和Virologica Sinica上;此外,待撰写SCI论文1篇。
- 2. 参与国家自然科学基金项目东北典型湿地噬菌体遗传基因多样性及分布特征研究 (41571246):基于切向流过滤、超速离心、基因组多重置换扩增等生物学技术,探索并 建立了解析环境水体病毒宏基因组的研究方法;采用荧光显微镜、透射电子显微镜观察病 毒颗粒的数量、形态。待撰写SCI论文1篇。
- 3. 参与上述基金年度总结报告、结题报告的撰写工作。

(二) 土壤微生物研究

参与中国科学院战略性先导科技专项(B类)项目不同管理模式下农田土壤微生物群落的演替规律(XDB15010103):掌握土壤基础数据,包括土壤含水量、pH值、全碳、全氮、铵态氮、硝态氮、微生物量碳、土壤酶活性等的测定以及提取土壤微生物DNA、细菌和真菌的PCR扩增以及PCR产物的回收等技术。

(三) 其它实验技能:

土壤RNA的提取、RT-PCR、qPCR、DNA-SIP(稳定性同位素探针技术)、DGGE、基础的高通量数据分析、蓝藻实验室内外培养、蓝藻的继代培养、噬藻斑培养、噬菌体分离鉴定等。

四、获得的科技/荣誉奖励及研究成果情况(代表性研究论文、专利、获奖等,标注排名) 以第一作者身份发表 SCI 论文 3 篇,待撰写 SCI 论文 2 篇;以合作作者身份发表 SCI 论 文和 CSCD 论文各 1 篇。

- 1. **Xinzhen Wang**, Junjie Liu, Zhenhua Yu, Jian Jin, Xiaobing Liu, Guanghua Wang. (2016) Novel groups and unique distribution of phage *phoH* genes in paddy waters in northeast China. Scientific Reports, DOI: 10.1038/srep38428. (SCI 2 ⋈ IF 5.228)
- 2. **Xinzhen Wang**, Junjie Liu, Zhenhua Yu, Jian Jin, Xiaobing Liu, Guanghua Wang. (2016) Novel groups of cyanobacterial podovirus DNA polymerase (*pol*) genes exist in paddy

waters in northeast China. FEMS Microbiology Ecology, 92 (12): 1-10. (SCI 2 🗵 IF 3.53)

- 3. **Xinzhen Wang**, Ruiyong Jing, Junjie Liu, Zhenhua Yu, Jian Jin, Xiaobing Liu, Xiaojuan Wang, Guanghua Wang. (2016) Narrow distribution of cyanophage *psbA* genes observed in two paddy waters of Northeast China by an incubation experiment. Virologica Sinica, 31 (2): 188–191. (SCIE)
- 4. Junjie Liu, Zhenhua Yu, **Xinzhen Wang**, Jian Jin, Xiaobing Liu, Guanghua Wang. (2016) The distribution characteristics of the major capsid gene (*g23*) of T4-type phages in paddy floodwater in Northeast China. Soil Science and Plant Nutrition, 62 (2): 133-139. (SCI 4 ⊠ IF 0.954)
- 5. 王光华, 刘俊杰, 于镇华, **王新珍**, 金剑, 刘晓冰. (2016) 土壤酸杆菌门细菌生态学研究进展. 生物技术通报. 32 (2): 1-6. (CSCD)
- 6. **Xinzhen Wang**, Ruiyong Jing, Junjie Liu, Zhenhua Yu, Jian Jin, Xiaobing Liu, Guanghua Wang. (2015) Diversity and distribution of cyanophage *psbA* genes in two paddies of Northeast China assessed by an incubation experiment. 中国生态学学会微生物生态专业 委员会 2015 年年会论文摘要集.
- 7. **Xinzhen Wang**, Junjie Liu, Zhenhua Yu, Jian Jin, Xiaobing Liu, Guanghua Wang. Novel groups of picocyanobacteria in paddy waters in northeast China revealed by 16S-23S rRNA internal transcribed spacer sequences. (撰稿中)

获奖情况:

中国科学院大学 2015-2016 学年优秀学生 中国科学院大学 2016-2017 学年优秀学生

五、提供两或三位同行具有高级职称推荐人的联系方式(姓名、职务、电话和邮箱地址)

刘晓冰 研究员: 中国科学院长春分院副院长; 中国科学院东北地理与农业生态研究所博士生导师; +86-451-86691167/13359721155; liuxb@iga.ac.cn

王光华 研究员: 中国科学院东北地理与农业生态研究所农田分子生态学科组组长/中国科学院黑土区农业生态重点实验室副主任/博士生导师; +86-451-86602745/13313640266; wanggh@iga.ac.cn

金剑 研究员: 中国科学院东北地理与农业生态研究所博士生导师;+86-451-86691286/13009808520; jinjian@iga.ac.cn

六、应聘岗位陈述(对岗位的认识、研究兴趣、应聘理由及优势、工作设想和其它说明):

岗位认识:

(1) 热爱科研工作,实验能力强,能独立开展课题研究;

(2) 具有较强的责任心和团队合作精神,协助课题组长完成各项课题任务和研究生的培养工作,营造奋进、创新、和谐的团队氛围。

应聘理由及优势:

- (1)专业知识背景与应聘岗位契合。具备生物科学和生态学专业理论学习背景,硕、博期间一直从事微生物分子生态学研究,熟练掌握多项生物学实验技能以及环境微生物宏基因组学研究技术;鉴于我们课题组具备丰富的高通量数据分析经验,目前我已掌握一些高通量数据处理方法,并将熟练掌握相关分析技术。
- (2)吃苦耐劳,踏实肯干,实验能力强,期望在研究机构继续发挥自身的科研潜力,在 农业资源与生态环境领域取得具有重要意义的研究结果。

研究兴趣及工作设想:

(1) 开展不同施肥措施对土壤微生物多样性及其群落结构的影响研究。

土壤微生物是农田土壤养分的源与汇,是土壤中最活跃的组成成分,参与了土壤发生、发展、发育的全过程。土壤微生物结构受环境条件变化和人类活动影响较大,不同的施肥与耕作措施、季节变化和地域差异都对微生物群落结构产生较大影响,研究其对土壤物理、化学与生物学性质,以及土壤微生物活动状况的影响,并做出科学的评价和相应的改善措施,能够为土壤可持续利用及提高粮食产量提供决策依据,从而有利于实现到 2020 年化肥零增长行动。

(2) 开展噬菌体防控作物细菌性病害研究。

对于传统的化学方法、轮作及种植抗病品种等都不能有效控制的病害(如烟草等茄科植物青枯病),探索一种新型、有效的生物防治方法——"噬菌体疗法"成为近年来研究的热点。随着耐药性细菌和超级细菌的出现,利用噬菌体防控细菌性疾病和病害的研究越来越受到人们的重视,有利于实现到 2020 年农药零增长行动。

(3) 开展富营养或赤潮水体的生物防治研究。

采用高通量测序以及宏基因组测序方法,解析富营养或赤潮水体中细菌、真菌、病毒基因多样性及群落结构,探讨其与富营养或赤潮发生与消亡过程的对应关系、发掘源于海洋微生物的抑藻基因;分离并鉴定富营养或赤潮水体中的溶藻微生物(特别是噬藻体和真核藻类病毒),开发赤潮生物防治工具。

七、附件: 证明能力的: 论文、证书影印件、其它材料等(PDF)

本人承诺以上情况真实无误,如有虚假,本人愿意承担一切后果。

申请人签名: エス

填表日期: 2017 年 5 月 11 日